################################################################

Kmeans

##############################################################

Dataset.file<- "D:/Experimentjournal/dumy2.csv"

Dataset <- read.csv(Dataset.file,header=TRUE)

Km1 <- kmeans(Dataset [,2:21], 3)

################################################################

Hirarchical

##############################################################

Dataset.file<- "D:/Experimentjournal/dumy.csv"

Dataset <- read.csv(Dataset.file,header=TRUE)

distance <- dist(Dataset[,-1], method="euclidean")

OR

(distance <- dist(Dataset[,-1], method="manhattan")

cluster <- hclust(distance, method="average")

cluster$order

group.3 <- cutree(cluster, k = 3)

table(group.3, Dataset$Category)

plot(cluster, hang=-1, label=Dataset$Category)

plot(as.dendrogram(cluster), edgePar=list(col="darkgreen", lwd=2), horiz=T)

################################################################

Fuzzy cmeans

##############################################################

install.packages("e1071")

library(e1071)

Dataset.file<- "D:/Experimentjournal/dumy1.csv"

Dataset <- read.csv(Dataset.file,header=TRUE)

result <- cmeans(Dataset[,-1], centers=3, iter.max=100, m=2, method="cmeans")

result

################################################################

Partitioning Around Medoids (PAM)

##############################################################

install.packages("cluster")

library(cluster)

Dataset.file<- "D:/Experimentjournal/dumy.csv"

Dataset <- read.csv(Dataset.file,header=TRUE)

ds <- Dataset[,-1]

result <- pam(ds, 3, FALSE, "euclidean")

summary(result)

################################################################

DBScan

##############################################################

install.packages("fpc")

library(fpc)

Dataset.file<- "D:/Experimentjournal/dumy.csv"

Dataset <- read.csv(Dataset.file,header=TRUE)